

Resumen #1841

Prevalencia de los virus HHV-6A y HHV-6B en pacientes con meningoencefalitis aséptica en la provincia de Córdoba, año 2022

¹Yuvel A, ¹Biganzoli P, ²Lazzarino MJ, ³Castro G, ³Sicilia P, ¹Pavan J, ¹Ferreira L

¹Cátedra de Bacteriología y Virología Médica, FCM, UNC. Instituto de Virología JM Vanella,; ²Cátedra de bacteriología y Virología Médicas -FCM- UNC; ³Departamento Laboratorio Central, Ministerio de Salud de la Provincia de Córdoba

Resumen:
Las

Persona que presenta: Yuvel A, agustina.yuvel@mi.unc.edu.ar **Área:** Epidemiológica / Salud Pública
Disciplina: Infectología, inflamación e inmunología meningoencefalitis asépticas son ocasionadas por agentes virales como enterovirus o Herpes Simplex (HSV), entre otros. En los años recientes los Herpesvirus Humanos 6A y B (HHV-6A y HHV-6B), pero particularmente mucho más el HHV-6B, han sido asociados cada vez con mayor frecuencia a este tipo de patologías, reportándose casos de meningitis o meningoencefalitis en personas de diferentes edades y en todas partes del mundo. En nuestro país, se desconoce la epidemiología de los virus HHV-6A y el HHV-6B asociados a meningoencefalitis aséptica. Con el objetivo de realizar una estimación de la asociación etiológica de estos dos virus a la meningoencefalitis aséptica en nuestro medio, realizamos un estudio retrospectivo para calcular la prevalencia del ADN de estos virus en muestras de líquido cefalorraquídeo (LCR) que fueron obtenidos en pacientes sospechados de tener una meningoencefalitis viral durante el año 2022.

Para el estudio se procesaron 95 muestras de LCR obtenidas durante el año 2022 (rango de edad 1-87 años). Las mismas provenían de Córdoba capital y de diferentes ciudades del interior de la provincia de Córdoba, y que fueron enviadas al Laboratorio Central del Ministerio de Salud de la Provincia para diagnóstico viral y luego fueron conservadas a -20°C. Para la detección del ADN viral se utilizó una nested PCR que detecta y tipifica ambos virus (HHV-6A y B).

De las 95 muestras procesadas, 46 fueron positivas para HHV-6B, y todas resultaron negativas para HHV-6A sin coinfección con otros virus. Esto resultó en una prevalencia del 48,4% del ADN de HHV-6B en el LCR de pacientes con meningoencefalitis.

La prevalencia del ADN del HHV-6B encontrada en personas con meningoencefalitis aséptica nos permitió inferir que este virus es un muy frecuente agente causal de esta patología en nuestra provincia, lo que remarca la importancia de tener en cuenta a este virus en el diagnóstico y tratamiento de esta enfermedad.

Palabras Clave: HHV-6B, meningoencefalitis, Prevalencia  [Versión para impresión](#) |  [PDF version](#)

Abstract #1841

Prevalence of HHV-6A and HHV-6B viruses in patients with aseptic meningoencephalitis in the province of Córdoba, year 2022

¹Yuvel A, ¹Biganzoli P, ²Lazzarino MJ, ³Castro G, ³Sicilia P, ¹Pavan J, ¹Ferreira L

¹Cátedra de Bacteriología y Virología Médica, FCM, UNC. Instituto de Virología JM Vanella,; ²Cátedra de bacteriología y Virología Médicas -FCM- UNC; ³Departamento Laboratorio Central, Ministerio de Salud de la Provincia de Córdoba

Abstract:
Aseptic

Persona que presenta: Yuvel A, agustina.yuvel@mi.unc.edu.ar meningoencephalitis is caused by viral agents such as Enteroviruses or Herpes Simplex (HSV), among others. In recent years, Human Herpesviruses 6A and B (HHV-6A and HHV-6B), but particularly HHV-6B, have been more and more frequently associated with this type of pathologies, reporting cases of meningitis or meningoencephalitis in people of different ages and in all parts of the world. In our country, the epidemiology of HHV-6A and HHV-6B viruses associated with aseptic meningoencephalitis is unknown. In order to estimate the etiological association of these two viruses to aseptic meningoencephalitis in our environment, we conducted a retrospective study to calculate the prevalence of DNA of these viruses in cerebrospinal fluid (CSF) samples obtained from patients suspected of having viral meningoencephalitis during the year 2022.

For the study, 95 CSF samples obtained during the year 2022 (age range 1-87 years) were processed. The samples were sent to the Central Laboratory of the Ministry of Health of the Province of Córdoba for viral diagnosis and were then stored at -20°C. For the detection of viral DNA, a nested PCR was used to detect and type both viruses (HHV-6A and B).

Of the 95 samples processed, 46 were positive for HHV-6B, and all were negative for HHV-6A without co-infection with other viruses. This resulted in a 48.4% prevalence of HHV-6B DNA in the CSF of patients with meningoencephalitis.

The prevalence of HHV-6B DNA found in people with aseptic meningoencephalitis allowed us to infer that this virus is a very frequent causal agent of this pathology in our province, which highlights the importance of taking this virus into account in the diagnosis and treatment of this disease.

Keywords: HHV-6B, meningoencephalitis, prevalence